







# La Genetica e la Genomica della vacca da Parmigiano Reggiano

Prof. Martino Cassandro

Anafibj

**FedANA** 

Università di Padova











# Argomenti

- 1. La Genetica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 2. La Genomica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 3. Conclusioni e Prospettive











# IL GRUPPO DI LAVORO

### 2018: nasce ICS-PR:

Ufficio Ricerca e Sviluppo Ufficio FA







Prof. Summer Dr. Cipolat-Gotet



Dr. Nocetti







Prof. Formigoni

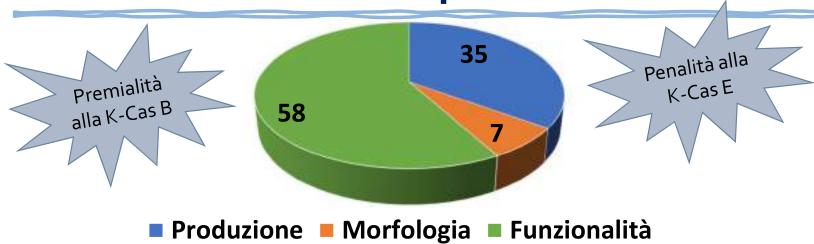








ICS-PR: i pesi



Produzion	e
Kg Grasso	5
Kg Proteine	30

Morfologia	
Statura	-2
Locomozione	3
Prof. Mammella	2

Funzionali	tà
Cellule	14
Facilità Parto	9
Longevità	10
Mastite	5
Fertilità	20









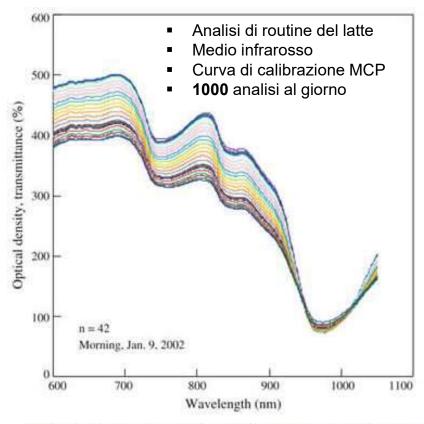




### LE PROPRIETA' DI COAGULAZIONE DEL LATTE

Parametro	RCT [min]	K20 [min]	A30 [mm]
Osservazioni	6,430,678	6,632,993	5,879,591
Animali	677,438	681,982	673,133
Media	25.24	7.55	19.87
Dev. standard	6.42	2.24	9.54
CV%	25.45	29.67	48.01
Min	5	1	3
Max	60	20	60

#### Analisi MIR – Medio Infra Rosso



Esempio di spettro di assorbimento di una serie di campioni





# Convenzioni firmate tra FEDANA-AIA-CONSORZI di TUTELA dei FORMAGGI PR e GP

01/mar/21 1º Incontro tra Nocetti e Cassandro

29/giu/22 Protocollo di intensa tra

AIA-Consorzio PR-FedANA

set/22 ad oggi vari incontri tecnici e divulgativi

PROTOCOLLO DI INTESA.
CONSCREZIO del Formaggio Farmigiano-Reggiano
legale to Beggie Smills. Vis. J. F. Kiesnely to
Mill (7900), in pirsum slid Passislems. Dr. Nicola
Americalisate per la outros presso la sede Aut CONSIGN
in poliper herritanelle "CONSCRZIO"
Associacione fodiana Allevateri, con orde legale in
XXXV Maggin 64, C.F. (1893#960#6), in presente del P
Lagain Rapproventuras (ng. Buleoto Novombet, dom
la cocica pressa la sede legale dell'Associazione, d'ess
herritik andre "AUA"
*
lederation delle Association Nationali di Bassi
otroick ligale in Stoma, Via DEV Maggie 43, C.F. 97
ri presenta chii Prosodorte, Sig. Kettetu Casilles, does
is cutton prome to scale higgin della PEDANIA, d'ena
territà anche "PEDANA"

18/ott/23 1° incontro in Consorzio GP con dott. Berni e ANAFIBJ

28/nov/23 Accordo sottoscritto tra le parti

31/gen/24 Comunicato stampa Accordo AIA-Consorzio GP-FedANA









### Attività svolte assieme nel 2022



# Nuovi dati disponibili per stimare Resa Casearia





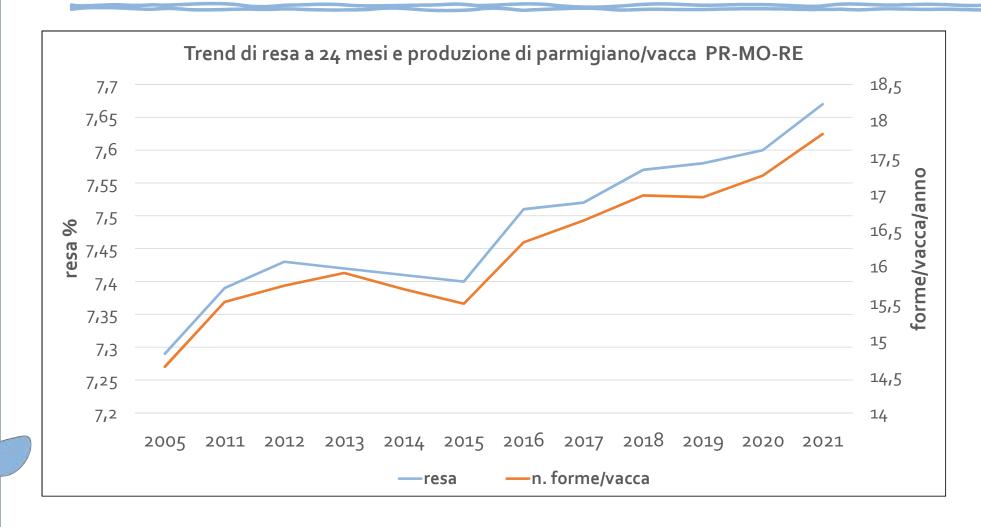








# Non più solo latte e morfologia...ma di resa e forme







# Bianconero «bimensile» rubrica ..dal latte alla DOP...













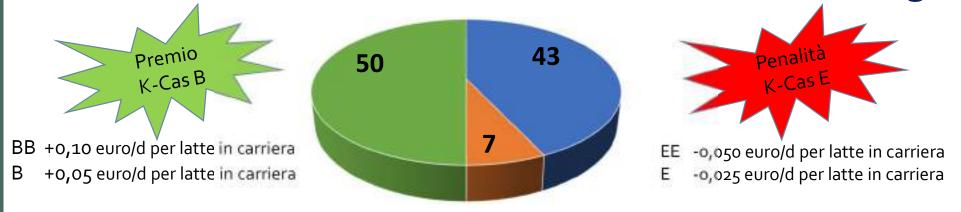






#### your COW our FUTURE

# Indice di CASEIFICABILITA e SOSTENIBILITA' - vs 3.0



■ Produzione ■ Morfologia ■ Funzionalità

Produzione		Tipo		
Kg Grasso	5	Statura	-2	
Kg 32		Locomozione	3	
Proteina		Prof. Mammella	2	

Aumento della Proteina dal 30 al 32% e Longevità dal 10 all'11% Invariati il Grasso al 5% come anche il TIPO 7% e le SCC al 14% Riduzione della Facilità di parto dal 9 al 5% Riduzione della Fertilità dal 20 al 15% Introduzione del IQC al 6%

Funzionalità			
SCC	14		
Facilità parto	5		
Longevità	11		
Mastite	5		
Fertilità	15		

# Caseificabilità IQC (Caseina, RCT, K<sub>20</sub> e A<sub>30</sub>)





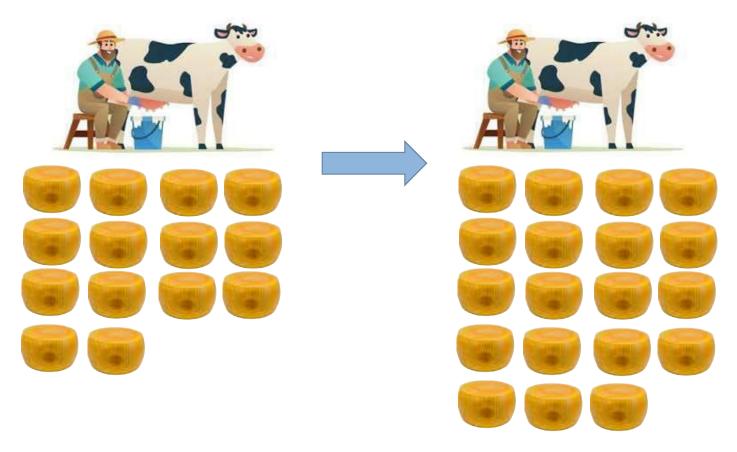






# 2005: 14 forme/vacca/anno

# 2023: 19 forme/vacca/anno



Cremona, 29 Novembre 2025



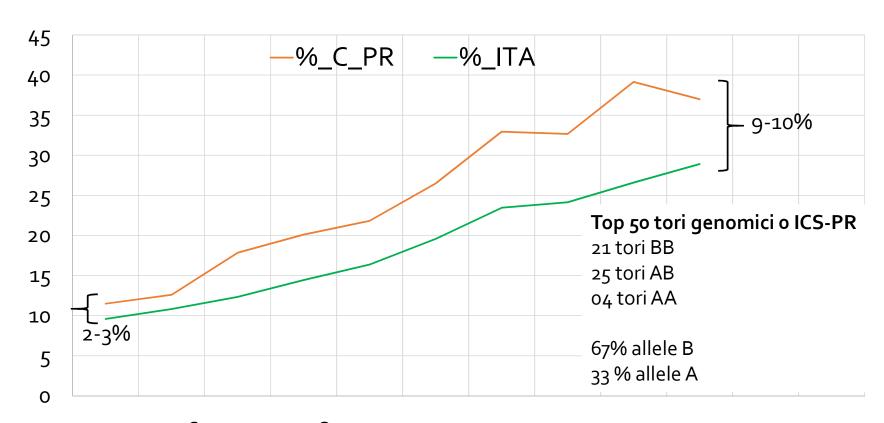






### YOUR COW

## % di Soggetti K-Cs BB in ITALIA e zona del C\_P-R



2015 2016 2017 2018 2019 2020 2021 2022 2023 2024

Cremona, 29 Novembre 2025











# Argomenti

- 1. La Genetica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 2. La Genomica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 3. Conclusioni e Prospettive









#### your COW our FUTURE

# Genotipizzaioni analizzate e Progetto Genomica C\_P-R

• Soggetti: 197.479 di cui 1.000 dal Progetto C\_P-R

• Nati: dal 1/1/2019 al 31/12/2023

• Tutte femmine genotipizzate

Sottoinsieme	Numero per gruppo	Totale 2 gruppi insieme
Zona PR	16.970 <i>(9%)</i>	107 (70 (100%)
Italia senza Zona PR	180.509 <i>(91%)</i>	197.479 <i>(100%)</i>
10% migliore x ICS-PR	19.748 <i>(10%)</i>	22.426
10% inferiore x ICS-PR	19.748 (10%)	39.496
10% migliore x IQC	19.748 (10%)	22.126
10% inferiore x IQC	19.748 (10%)	39.496





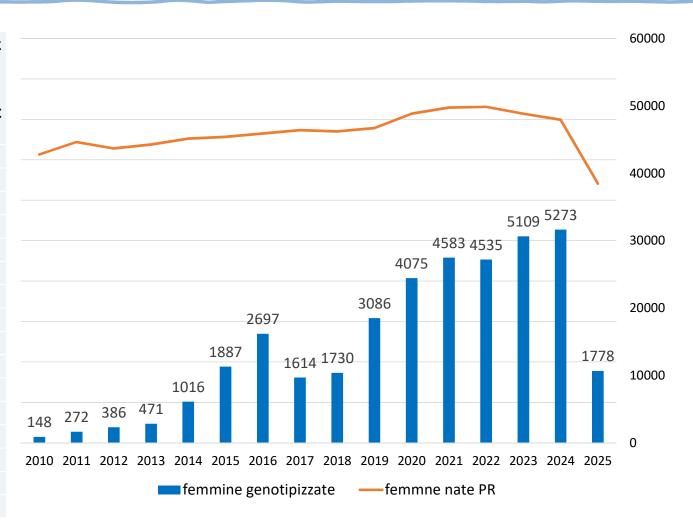




#### your COW our FUTURE

# Genotipizzazioni bovine del C\_P-R sulle Totali genotipizzate

anno nascita	%_genotipiz zate C_P-R su totali genotipizzat e ITA
2010	0,3
2011	0,6
2012	0,9
2013	1,1
2014	2,3
2015	4,2
2016	5,9
2017	3,5
2018	3,7
2019	6,6
2020	8,3
2021	9,2
2022	9,1
2023	10,5
2024	11,0
2025	<b>4,</b> 6





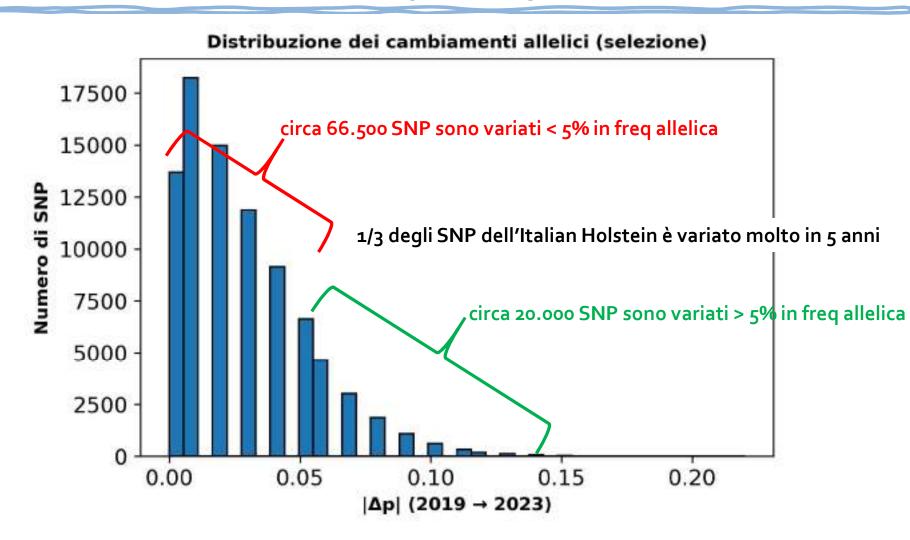








# Distribuzione delle variazioni della frequenza allelica dal 2019 al 2023







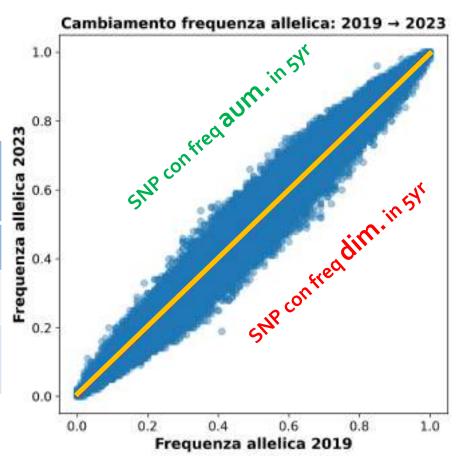




# Cambiamenti nella frequenza degli alleli SNP dal 2019 al 2023 e medie ICS-PR e IQC tra area P-R e altre zone d'Italia

• Le frequenze degli alleli sono cambiate a causa della "selezione genetica e della deriva casuale" nel giro di 5 anni.

	Media EBV ICS-PR		Media IC	
Progresso	C_P-R	Altre	C_P-R	Altre
2019-2023	+384,9	+358,1	+3,4	+3,0
Diff. tra C_P-R e Altre	+26,8 kg +8 %		+0,4 punti +13 %	







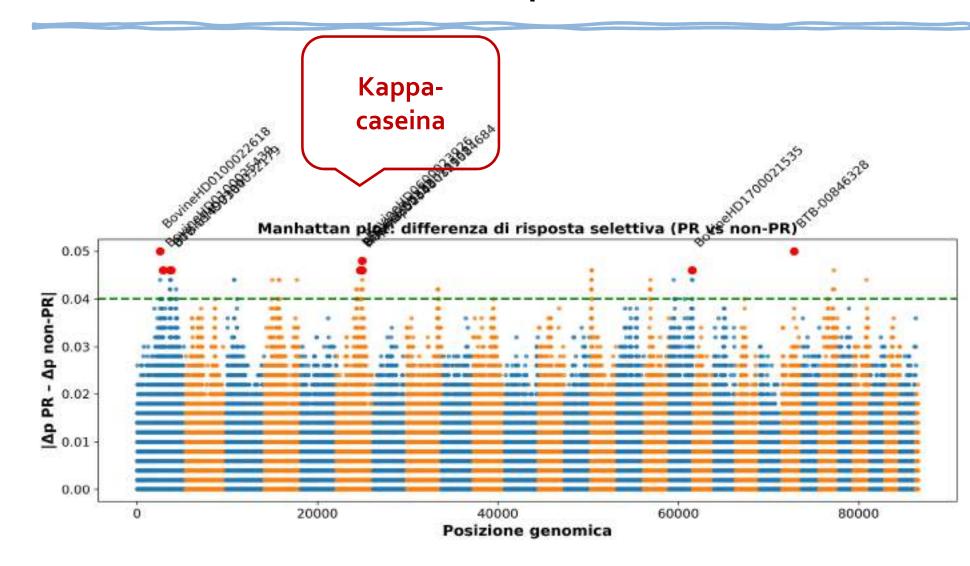






your COW

### PR vs non-PR: Differenza di risposta selettiva





# PR vs non-PR: Differenza di risposta selettiva



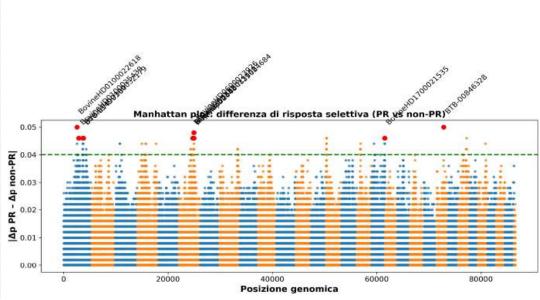




3635

UA-IFASA-7369

Top 20 SNPs per differenza media PR vs non-PR:				
10p 20 S				An maan
		pA_PR_mean	pA_non_mean	Δp_mean
72828	BTB-00846328	0.506	0.456	0.050
2551	BovineHD0100022618	0.486	0.536	0.050
24959	BovineHD0600023926	0.438	0.486	0.048
61538	BovineHD1700021535	0.568	0.614	0.046
24834	BovineHD0600023198	0.486	0.532	0.046
2889	BovineHD0100025439	0.396	0.442	0.046
3667	BovineHD0100032179	0.770	0.724	0.046
24958	Hapmap52348-rs2902468	4 0.456	0.502	0.046
3787	BTB-01499384	0.328	0.374	0.046
24737	BTB-00265222	0.302	0.348	0.046
77245	ARS-BFGL-NGS-78606	0.412	0.458	0.046
50368	ARS-BFGL-NGS-74378	0.608	0.654	0.046
50384	UA-IFASA-9288	0.618	0.664	0.046
50411	UA-IFASA-5306	0.618	0.664	0.046
50406	BovineHD1400000977	0.670	0.716	0.046
3668	BTB-01058228	0.636	0.592	0.044
15741	BovineHD0400013400	0.676	0.720	0.044
17713	BovineHD0400031647	0.582	0.626	0.044
2553	ARS-BFGL-NGS-13617	0.546	0.502	0.044

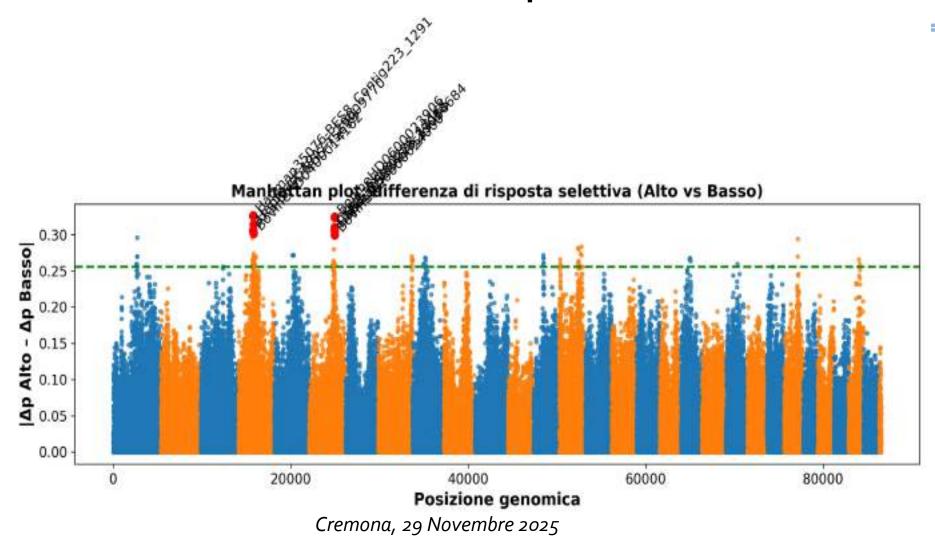


0.044

0.398



### ICS-PR: Confronto tra il 10% superiore e inferiore

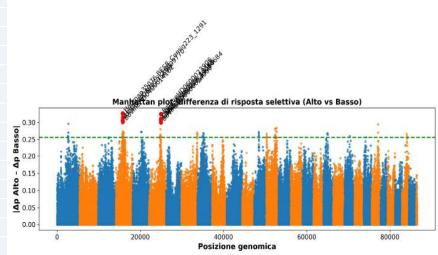






# ICS-PR: Confronto tra il 10% superiore e inferiore

ICS-PR:				
Top 20	SNPs per differenza media Alto vs Ba	sso:		
	SNPname	pA_alto_mean	pA_basso_mean	Δp_mean
15768	Hapmap35076-BES8_Contig223_129	0.822	0.496	0.326
24947	BovineHD0600023906	0.362	0.686	0.324
15819	Hapmap54947-rs29009770	0.172	0.486	0.314
24957	CSN3_AY380228_13165	0.354	0.664	0.310
24954	GNSC319	0.356	0.662	0.306
24958	Hapmap52348-rs29024684	0.356	0.662	0.306
15772	ARS-BFGL-NGS-75699	0.186	0.492	0.306
24953	CSN3_AY380228_13068	0.644	0.338	0.306
15820	BovineHD0400014162	0.834	0.532	0.302
24966	BovineHD0600024000	0.860	0.560	0.300
24967	Hapmap38371-BTA-105598	0.776	0.478	0.298
15760	BTA-94736-no-rs	0.168	0.466	0.298
15761	BTB-00179771	0.168	0.466	0.298
15675	ARS-BFGL-NGS-104842	0.214	0.510	0.296
2700	BovineHD0100023776	0.632	0.336	0.296
24959	BovineHD0600023926	0.348	0.644	0.296
77160	BovineHD2400012780	0.712	0.418	0.294
52762	ARS-BFGL-NGS-4650	0.668	0.384	0.284
52384	BTB-01075462	0.712	0.430	0.282
24836	UA-IFASA-2111	0.658	0.378	0.280







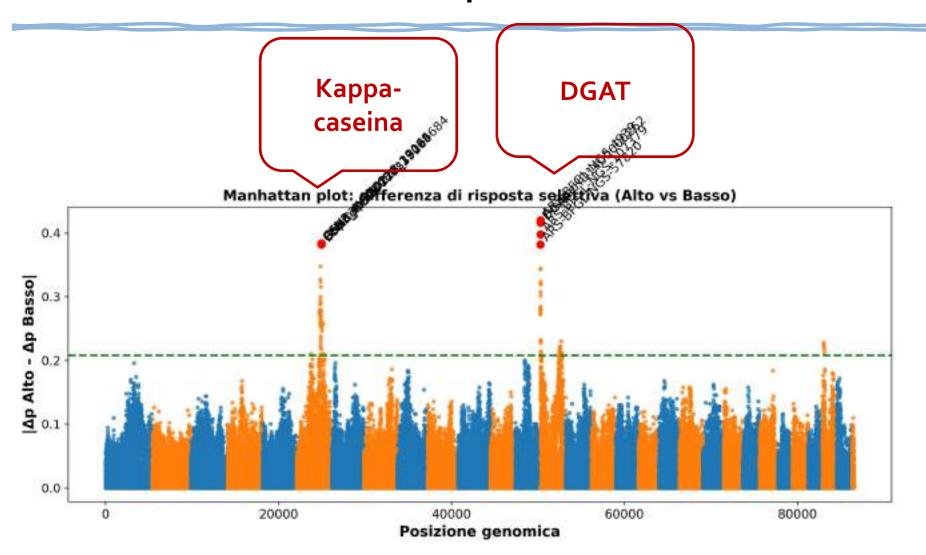






your COW

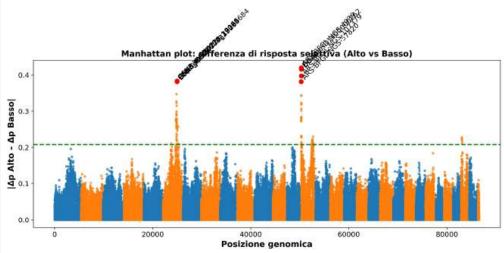
# IQC: Confronto tra il 10% superiore e inferiore





# IQC: Confronto tra il 10% superiore e inferiore

IQC:				
Top 20 S	SNPs per differenza media	Alto vs Basso	):	
	•		pA_basso_mean	Δp_mean
50291	ARS-BFGL-NGS-4939	0.450	0.870	0.420
50299	BovineHD1400000262	0.572	0.154	0.418
50292	DGAT	0.564	0.148	0.416
50301	ARS-BFGL-NGS-107379	0.426	0.824	0.398
24957	CSN3_AY380228_13165	0.296	0.680	0.384
24958	Hapmap52348-rs29024684	4 0.296	0.680	0.384
24954	GNSC319	0.298	0.680	0.382
24953	CSN3_AY380228_13068	0.704	0.322	0.382
50288	ARS-BFGL-NGS-57820	0.446	0.828	0.382
24959	BovineHD0600023926	0.282	0.664	0.382
24947	BovineHD0600023906	0.310	0.690	0.380
24836	UA-IFASA-2111	0.702	0.354	0.348
50284	Hapmap30383-BTC-00584	48 0.574	0.230	0.344
50290	ARS-BFGL-NGS-94706	0.422	0.766	0.344
24828	BovineHD0600023107	0.724	0.396	0.328
50295	BovineHD1400000246	0.630	0.306	0.324
24842	BovineHD0600023258	0.744	0.420	0.324
50296	BovineHD1400000249	0.628	0.308	0.320
50294	BovineHD1400000243	0.372	0.692	0.320
24896	BovineHD0600023773	0.780	0.464	0.316







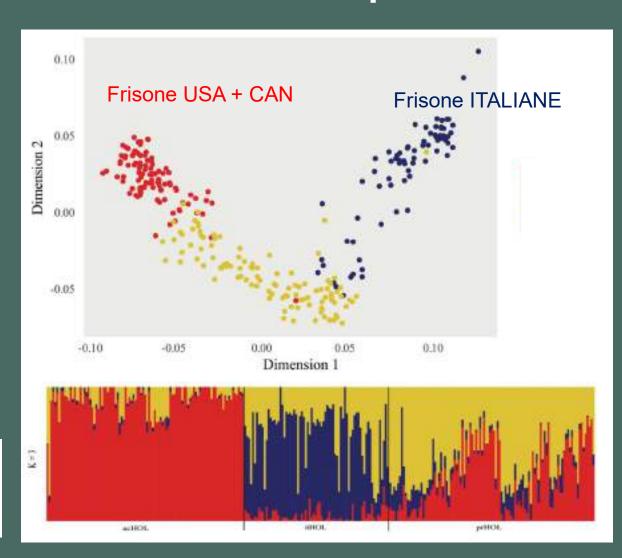
# LA VACCA DA FORMAGGIO DOP si sta plasmando

Ogni singolo punto un soggetto e ogni gruppo di animali è stato colorato in modo diverso.

- Evidente dimostrazione dell'esistenza di una distanza genetica tra i gruppi analizzati
- Molto evidente tra le Frisone nord americane e italiane.

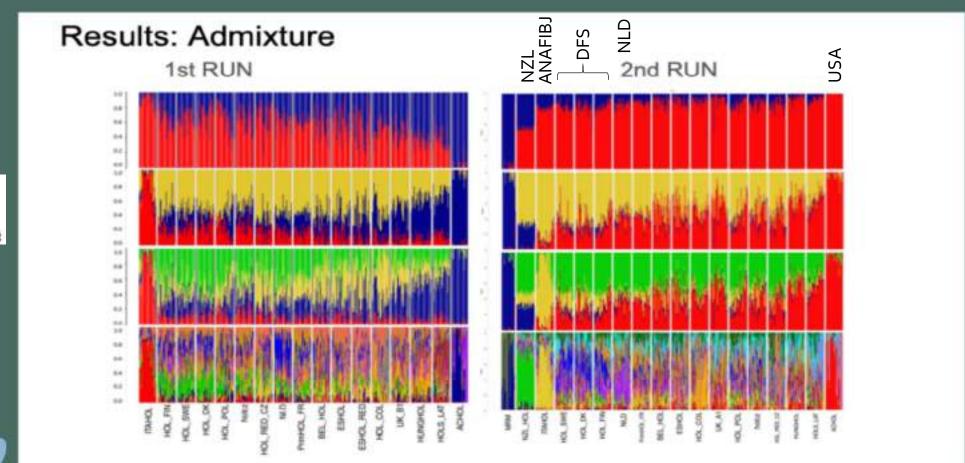
La spiegazione non è semplice, ma potremmo suppore che una qualche influenza di condizioni ambientali, sistemi di allevamento e obiettivi di selezione diversi, possa essere la causa della divergenza osservata.







# La HOLSTEIN ANAFIBJ tra le HOLSTEIN mondiali













# Argomenti

- 1. La Genetica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 2. La Genomica della vacca da Parmigiano Reggiano
- 3. Conclusioni e Prospettive





# Conclusioni

La Genetica e oggi Genomica sono fattori economici a basso costo offerti da ANAFIBJ previa iscrizione al LG e alla raccolta dati da parte delle ETD (AIA) e le ARA

la Genetica e oggi la Genomica hanno un impatto cumulativo e positivo se condotti con gli strumenti che mette a disposizione ANAFIBJ

La Genetica ed oggi la Genomica hanno disegnato la vacca da Parmigiano Reggiano e perseguono una popolazione Holstein italiana più distinta e competitività rispetto alle altre Holstein del mondo

La Genetica ed oggi la Genomica hanno aumenta la resa e produzione casearia

La Genetica e la Genomica bovina vanno perseguite con maggior impegno e diffusione in allevamento, in filiera e in un paese ad elevato valore aggiunto come l'Italia





# Pesi attributi ai caratteri negli indici di selezione ufficiali della Holstein negli Staiti Uniti (USA), Canada (CAN), Italia (ITA), Germania (DEU) e Olanda (NLD), Paesi Sandinavi (DFS) e Nuova Zelanda (NZL) ad aprile 2025.

	Indice	Paese	GRS, (peso su kg+%)	PRT, (peso su kg+%)	Rapporto GRS/PRT	Produzione	Funzionalità + Tipo
	TPI Net Merit, 2025 Fluid Milk, 2025 Cheese Merit, 2025	USA	19,0 31,8 31,7 30	19 13 0 17,4	1,00 2,45 no PRT 1,72	46 50,6 50,8 53,3	54 49,4 49,2 46,7
	LPI	CAN	24	16	1,50	40	60
)	PFT, 2025 ICS-PR, 2025 IES, 2025	ITA	6 5 5	44 32 39	0,14 0,16 0,13	50 43 44	50 57 56
	RZG	DEU	12	24	0,50	36	64
	NVI	NLD	12	16	0,75	37	63
	NTM	DFS	12	15	0,80	35	65
	BW	NZL	19,1	19,1	1,00	47,6	52,4

your COW our FUTURE











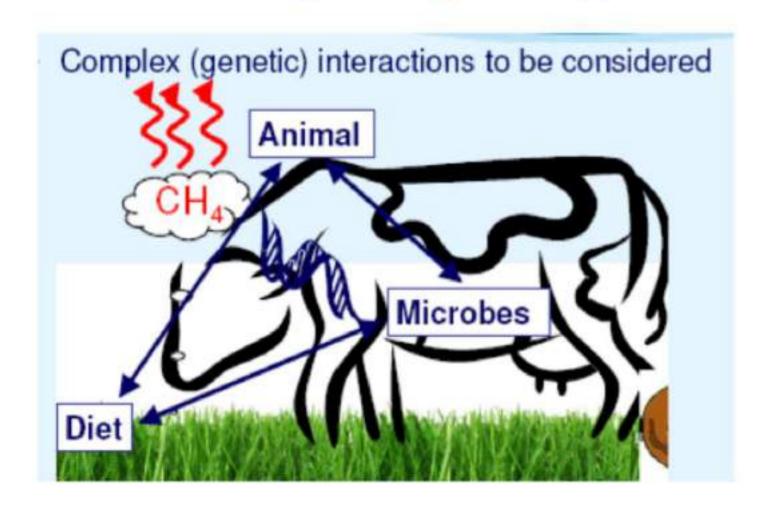
# Prospettiva

- 1) Iscrivere e controllare tutti i capi degli allevatori conferenti
- 2) **Genotipizzare tutti gli animali** degli allevatori conferenti ai soci del consorzio, in questo modo ANAFIBJ può fornire una serie di indici genetici e genomici (es. benessere, longevità, PFT, IES sostenibilità, ICS\_PR) e tanti altri servizi e analisi, come quelli della rintracciabilità ecc.





### La Vacca da Parmigiano Reggiano - App. Olistico







# Si ringrazia per l'attenzione







Martino Cassandro Maurizo Marusi Jan Thijs van Kaam



www.anafibj.it











